

98 基因體與蛋白質體醫學實驗

國立陽明大學 蛋白質體分析的程式設計 授課進度表

Using Visual Basic for Applications (VBA) to facilitate proteomic analysis

開 課 對 象：教學及研究人員、醫療產業界人士、博士班研究生、碩士研究生			
人 數：12 人		負責教師姓名：蔡有光、巫坤品	
學 分 數：1 學分		聯絡電話：2826-7119	
時 間：98 年 7 月 27 日至 7 月 31 日 9:00 - 18:20			
地 點：第一教學大樓電腦教室			
日 期	講 題	時數	教師姓名
7/27	(1) 一般 LC-MS/MS 資料的特性 The structuring of a LC-MS/MS data (2) 電腦程式寫作的一般性通則 General guidelines in computer programming	8	蔡有光 巫坤品
7/28	如何使用 Excel VBA 自 LC-MS/MS 資料取得質譜資訊 (二之一) Extraction of the mass spectral data using Excel VBA (1/2)	8	蔡有光 巫坤品
7/29	如何使用 Excel VBA 自 LC-MS/MS 資料取得質譜資訊 (二之二) Extraction of the mass spectral data using Excel VBA (2/2)	8	蔡有光 巫坤品
7/30	如何使用 Excel VBA 自動計算胜肽與蛋白質分子量 Automatic calculation of the molecular masses of peptides or proteins using Excel VBA	8	蔡有光 巫坤品
7/31	如何使用 Excel VBA 自動計算胜肽與蛋白質同位素群的數量比例 Automatic calculation of the relative abundances of peaks within an isotope cluster of proteins or peptides using Excel VBA	8	蔡有光 巫坤品